

75763US.ST25.txt  
SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat  
Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules identified thereby

<130> 59.68.75763/001

<150> PCT/GB03/00291

<151> 2003-01-03

<160> 51

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 21

<212> PRT

<213> artificial/unknown

<220>

<221> UNSURE

<222> (1)..(21)

<223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro  
1 5 10 15

Gly Ser Thr Gly Asp  
20

<210> 2

<211> 49

<212> PRT

<213> artificial/unknown

<220>

<221> UNSURE

<222> (1)..(49)

<223> transmembrane domain

<400> 2

Ala Val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu  
1 5 10 15

Pro Phe Lys Val Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu  
20 25 30

Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro  
35 40 45

Arg

<210> 3

<211> 5

<212> PRT

<213> artificial/unknown

<220>

<221> VARIANT

<222> (1)..(5)

<223> peptide derivative

<400> 3

Met Gly Trp Cys Thr

1 5

<210> 4

<211> 190

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(190)

<223> vector

<220>

<221> variation

<222> (1)..(190)

<223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>

<221> variation

<222> (1)..(190)

<223> k= G or T in equal molar ratio

<400> 4

ttgacgcaaa tgggcggttag gcgtgtacgg tgggaggtct atataagcag agctcgttta 60

gtgaaccgctc agatctcttag aagctgggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc 120

tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagatata ttgatgagtt tggacaaacc 180

acaactagaa 190

<210> 5

<211> 70

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(70)

<223> vector

<220>

<221> variation

<222> (1)..(70)

<223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>

<221> variation  
 <222> (1)..(70)  
 <223> k= G or T in equal molar ratio

<400> 5  
 aagagctcgg taccaagaag gagttttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag 60  
 cttgaattca 70

<210> 6  
 <211> 23  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(23)  
 <223> synthetic sequence

<400> 6  
 aagagctcgg taccaagaag gag 23

<210> 7  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> synthetic sequence

<400> 7  
 ctgaattcaa gcttgatcc ttatc 25

<210> 8  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 8  
 agagctcggt tagtgaaccg 20

<210> 9  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 9

gtggtttgtc caaactcatc

20

<210> 10

<211> 55

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(55)

<223> library sequence

<400> 10

ggtaccaaga aggagtttac atatgggatg gtgtacttga taaggatcca agctt

55

<210> 11

<211> 20

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 11

ctacctcagg cagctcaagc

20

<210> 12

<211> 20

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 12

agacagcacc ctcatcatgc

20

<210> 13

<211> 20

<212> DNA

<213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 13

75763US.ST25.txt

tggtgctcat cttaatggcc 20

<210> 14  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 14  
 tgacaaaacc taacttgcg 20

<210> 15  
 <211> 26  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(26)  
 <223> primer

<400> 15  
 aagcagtggc aacaacgcag agtact 26

<210> 16  
 <211> 23  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(23)  
 <223> primer

<400> 16  
 aagcagtggc aacaacgcag agt 23

<210> 17  
 <211> 34  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(34)  
 <223> primer

<400> 17  
 atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag 34

<210> 18

<211> 34  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(34)  
 <223> primer

<400> 18  
 atctaccggt gccagcagtg gcgccgtcca acag

34

<210> 19  
 <211> 31  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(31)  
 <223> primer

<400> 19  
 aataaccgg gtcgccacca tggtagagcaa g

31

<210> 20  
 <211> 34  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(34)  
 <223> primer

<400> 20  
 aataatctag aacttgtaca gctcgtccat gccg

34

<210> 21  
 <211> 22  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(22)  
 <223> primer

<400> 21  
 tcgtaaatca ctgcataatt cg

22

<210> 22  
 <211> 22  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(22)  
 <223> primer

<400> 22  
 gtccataccc tttttacgtg aa

22

<210> 23  
 <211> 22  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(22)  
 <223> primer

<400> 23  
 gattagcgga tcctacctga cg

22

<210> 24  
 <211> 22  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(22)  
 <223> primer

<400> 24  
 gccaggcaaa ttctgtttta tc

22

<210> 25  
 <211> 24  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(24)  
 <223> primer

<400> 25  
 tcaggtcggg aattatcgca ttat

24

<210> 26  
 <211> 24  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(24)  
 <223> primer

<400> 26  
tcgccgtaat ggctagtcac atcc 24

<210> 27  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> artificial/unknown

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (1)..(20)  
<223> primer

<400> 27  
taatacgact cactataggg 20

<210> 28  
<211> 17  
<212> DNA  
<213> artificial/unknown

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (1)..(17)  
<223> primer

<400> 28  
attaaccctc actaaag 17

<210> 29  
<211> 24  
<212> DNA  
<213> artificial/unknown

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (1)..(24)  
<223> primer

<400> 29  
cgattacgcg tgaatctaac agcc 24

<210> 30  
<211> 24  
<212> DNA  
<213> artificial/unknown

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (1)..(24)  
<223> primer

<400> 30  
ggctgttaga ttcacgcgta atcg 24

<210> 31  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> primer

<400> 31  
 cctgatgctg atgccagatg agcgc

25

<210> 32  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> primer

<400> 32  
 gcgctcatct ggcacagca tcagg

25

<210> 33  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 33  
 gataatgtgc gcgtcgaata

20

<210> 34  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 34  
 tttgcggaaa cgcagatcgt

20

<210> 35  
 <211> 20

<212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 35  
 gtgtcgcacct tattcccttt 20

<210> 36  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 36  
 ggcacctctc tcagcgatct 20

<210> 37  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 37  
 agcgaatacg tcttccgtca 20

<210> 38  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 38  
 gatggctggg ttccatcagt 20

<210> 39  
 <211> 21  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>

<221> misc\_feature  
 <222> (1)..(21)  
 <223> library sequence

<400> 39  
 atgggttttt ggaggtgata a

21

<210> 40  
 <211> 5  
 <212> PRT  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> UNSURE  
 <222> (1)..(5)  
 <223> library sequence

<400> 40

Met Gly Phe Leu Arg  
 1 5

<210> 41  
 <211> 5  
 <212> PRT  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> UNSURE  
 <222> (1)..(5)  
 <223> library sequence

<400> 41

Met Gly Phe Trp Arg  
 1 5

<210> 42  
 <211> 71  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(71)  
 <223> primer

<220>  
 <221> variation  
 <222> (1)..(71)  
 <223> N= A, T, G or C

<220>  
 <221> variation  
 <222> (1)..(71)  
 <223> K= G or T

<400> 42  
 aagagctcgg taccaagaag gagttttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag 60  
 cttgaattca g 71

<210> 43  
 <211> 23  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(23)  
 <223> primer

<400> 43  
 aagagctcgg taccaagaag gag 23

<210> 44  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> primer

<400> 44  
 ctgaattcaa gcttggatcc ttatc 25

<210> 45  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 45  
 agagctcggt tagtgaaccg 20

<210> 46  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(20)  
 <223> primer

<400> 46  
 gtggtttgtc caaactcatc 20

<210> 47  
 <211> 23  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(23)  
 <223> primer

<400> 47  
 aagagctcgg taccaagaag gag

23

<210> 48  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> primer

<400> 48  
 ctgaattcaa gcttggatcc ttatc

25

<210> 49  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(25)  
 <223> library sequence

<400> 49  
 caagcttgct agcagctggt accca

25

<210> 50  
 <211> 84  
 <212> DNA  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (1)..(84)  
 <223> library sequence

<400> 50  
 cctcgagctg ccgctagcaa gcttggatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact  
 ccttcttggt acccagcttc taga

60

84

<210> 51  
 <211> 5  
 <212> PRT  
 <213> artificial/unknown

<220>  
 <221> PEPTIDE  
 <222> (1)..(5)

<220>  
 <221> VARIANT  
 <222> (1)..(5)  
 <223> X= G or M or V

<400> 51

Met Xaa Trp Cys Thr  
 1 5